

# KONTEXTUÁLNE VYUČOVANIE PRÍRODOVEDNÝCH PREDMETOV V PROSTREDÍ POČÍTAČOVÝCH TECHNOLOGIÍ

## THE CONTEXTUAL SCIENCE TEACHING IN THE AREA OF COMPUTER

*Beatrix Bačová – Lýdia Kontrová*

### **Abstrakt**

Kontextuálne vyučovanie a prírodovedná gramotnosť sú pojmy, ktoré sú v súčasnosti v strede záujmu mnohých didaktikov. V článku zdôrazňujeme stále väčšiu potrebu rozvíjania takých kompetencií učiteľa, ktoré mu umožňujú vnímať a následne študentom prezentovať preberanú problematiku v širších súvislostiach, implementovať pri vyučovaní prírodovedných predmetov fakty a vedomosti z viacerých vedných odborov. Didaktické majstrovstvo učiteľa spočíva v schopnosti vidieť a poukázať pri vyučovaní na možnosti interdisciplinárnych prepojení. Konkrétne upriamime pozornosť na prepojenie obsahov učiva z oblasti biológie, informatiky a matematiky na príklade modelu rastu populácie.

### **Klíčová slova**

kontextuálne vyučovanie, interdisciplinárne prepojenia, dynamické matematické modely, model rastu populácie, počítačové simulácie, celulárne automaty, The Game of Life.

### **Abstract**

Contextual teaching and scientific literacy are concepts that are currently the centre of attention of many didacticians. The paper emphasizes a growing need to develop such teacher's skills which enable him/her to perceive and subsequently present a discussed issue in a broader context, and implement facts and knowledge from various scientific fields into science teaching. A teacher's didactic mastery lies in his/her ability to see and point out the possibilities of interdisciplinary connections in teaching-learning process. Specifically our attention will be focused on interrelation between the contents of the biology, computer science and mathematics curricula on the example of a population growth model.

### **Key words**

contextual teaching, interdisciplinary connections, dynamic mathematical models, population growth model, computer simulations, cellular automata, The Game of Life.

## **1. EFEKTIVITA VYUČOVACIEHO PROCESU A INTERDISCIPLINÁRNE PREPOJENIA**

V posledných rokoch registrujeme vo vzdelávaní snahu o zredukovanie obsahu učiva, ale tiež úsilie prepájať obsahy učiva jednotlivých vyučovacích predmetov a akceptovať využitie preberaných pojmov a faktov pri riešení problémov každodenného života. Zdôrazňuje sa predovšetkým nutnosť transferu vedomostí, získaných pri vyučovaní jedného prírodovedného predmetu do oblasti iného predmetu.

Ako učitelia matematiky sme často konfrontovaní otázkami študentov, ktorých zaujíma ako a kde môžu práve preberaný matematický poznatok využiť v praxi. Ak chceme v takejto chvíli vhodne a inšpiratívne reagovať, musíme upriamiť pozornosť do sveta biológie, ekonómie, ekológie, chémie či fyziky a ponúknuť študentom uspokojujúce vysvetlenie, uviesť relevantný aplikačný príklad. Matematika ponúka bohatú bázu, z ktorej čerpajú ostatné

prírodovedné, technické a ekonomické vedy, no na druhej strane práve tieto predmety (vedné odbory) ponúkajú matematikom bohatý priestor pre aplikovanie skúmaných matematických poznatkov.

Formovanie kompetencií učiteľa prekračujúcich rámec určitého predmetu sa javí v súčasnosti ako kľúčová úloha v didaktickej príprave učiteľov prírodovedných predmetov práve v súvislosti so snahou zvýšiť efektivitu výchovnovzdelávacieho procesu.

Domnievame sa, že didaktické kompetencie učiteľa prírodovedných predmetov sú o to bohatšie a výchovnovzdelávací proces je tým efektívnejší, čím komplexnejší pohľad na preberané pojmy a vzťahy sú študentom predstreté.

V súčasnej dobe informačných technológií je samozrejmé, že temer každá vedná disciplína využíva pri svojom výskume informatiku a matematiku. Veľmi intenzívne pociťujeme, ako počítačové technológie prenikajú do ostatných vedných disciplín, aby eliminovali rutinné a stereotypné činnosti, vytvorili priestor pre kreatívne a komplexné vedecké skúmanie, posunuli hranice poznania, umožnili realizovať výskum vo všetkých oblastiach vedy a techniky.

V našom článku demonštrujeme, ako inšpiratívna a podnetná môže byť vzájomná kooperácia a kolaborácia matematiky, biológie a informatiky na príklade matematického dynamického modelu a počítačovej simulácie rastu populácie organizmov.

## 2. MATEMATICKÉ MODELY RASTU JEDNODUCHÝCH SPOLOČENSTIEV ORGANIZMOV

Modelovanie je účelové zobrazovanie vyšetovaných vlastností originálu pomocou vhodne zvolených vlastností modelu. Jedná sa teda o reprodukciu vybraných vlastností sledovaného objektu na modely. Skúmanú skutočnosť nazývame originálom, resp. prototypom, či predmetom modelovania.[1]

Matematický model je abstraktný model, ktorý využíva matematický aparát (číselný, množinový, vektorový, geometrický, atď.) na opísanie správania sa istej sústavy (systému). Matematické dynamické modely sa používajú pre vyjadrenie evolúcie opisovaného systému prebiehajúcej v čase na základe a priori definovaného pravidla. Stretávame sa s nimi najmä v prírodných vedách a inžinierskych disciplínach (fyzike, biológii a elektrotechnike), ale tiež aj v sociálnych vedách (ekonómia, sociológia a politické vedy).

Častým predmetom záujmu matematikov sú simulácie biologických procesov, vytváranie modelov rastu a vzájomných vzťahov populácií rôznych druhov organizmov. Neodmysliteľnú úlohu tu zohrávajú počítačové technológie, ktoré svojim nesmiernym potenciálom participujú pri realizácii výskumov v tejto oblasti.

Modely rastu a vzájomných vzťahov rôznych populácií sú dnes využívané nielen vo všeobecnej biológii, mikrobiológii, ekológii, a ekonomike ale slúžia tiež

- ✓ na určovanie maximálnej úrody v poľnohospodárstve,
- ✓ na pochopenie dynamiky biologických invázií,
- ✓ pre porozumenie dôsledkov pri ochrane životného prostredia,
- ✓ pre prognózovanie šírenia parazitov, vírusov a ochorení a ďalšie aplikácie.

Najpoužívanejšie a najrozšírenejšie sú **spojité modely rastu populácie**, ktoré využívajú aparát matematickej analýzy a jazyk diferenciálnych rovníc. V prípade jednoduchých rastových modelov vystačíme s diferenciálnymi rovnicami 1. rádu.

V najjednoduchších modeloch sa populácia charakterizuje svojou veľkosťou, ktorú je možné vyjadriť buď počtom jedincov daného druhu alebo ich celkovou biomasou. Z hľadiska teórie systémov populácia predstavuje modelovaný systém. Stavovou premennou tohto systému je hustota populácie, ktorá je spojitou funkciou času  $t$ , označujeme ju  $x(t)$  a vyjadruje len približný počet jedincov v čase  $t$ .

Pri modeloch rastu živých organizmov predpokladáme, že špecifická miery rastu  $\mu$  nie je konštantná, ale závisí od množstva dostupného substrátu. Pri malej veľkosti populácie vystačíme s tzv. **Malthusovým modelom** [3], ktorý nepredpokladá závislosť špecifickej miery rastu  $\mu$  na veľkosti populácie, čo vyjadruje **Malthusova rovnica**

$$x'(t) = r \cdot x(t) \quad (1)$$

kde  $x'(t)$  predstavuje rýchlosť rozmnožovania v čase  $t$  a  $r$  je konštantou úmernosti, čo je relatívna rýchlosť rozmnožovania (špecifická rastová rýchlosť). Rýchlosť rozmnožovania je v tomto prípade priamo úmerná hustote populácie. Každé riešenie tejto rovnice má tvar

$$x(t) = x(0)e^{rt}.$$

Pre  $x(0) \neq 0$  a  $r > 0$  hustota populácie s časom  $t$  exponenciálne rastie, pre  $r = 0$  zostáva konštantná a pre  $r < 0$  klesá exponenciálne k nule a populácia vymiera. [5]

Problémom takýchto klasických (spojitých) dynamických modelov je, že pri ich konštruovaní sa prijímajú pomerne zjednodušené predpoklady. Populácia sa chápe globálne, „makroskopicky“, ako celok, pričom sa nereflektujú viaceré faktory, ako napríklad rozmnožovanie a smrť jedincov, priestorové rozloženie, či lokálne zmeny populácie. Lokálne rozdiely v populácii sa jednoducho „spriemerujú“. Určite pri mnohých úlohách je to správna intuícia, ľahko však nájdeme príklady, kde takýto prístup vedie k nesprávnym záverom. Napríklad podmienka spojitosti funkcie (1) je splnená len pre populácie dostatočne početné, v ktorých sa jednotlivé generácie prekrývajú (t.j. populácia obsahuje jedincov rôznych generácií). Toto však neplatí pre mnohé jednoduché organizmy s krátkou dĺžkou života.

Najjednoduchším alternatívnym riešením je „mikroskopické“ modelovanie rastu populácie, ktoré berie do úvahy ako priestorové rozloženie jedincov, tak podmienky zrodu, prežitia a smrti subjektov. Takéto modelovanie rastu populácie je možné realizovať prostredníctvom **celulárnych automatov**. V tomto momente registrujeme zásadný vstup počítačových technológií do oblasti matematického modelovania biologických procesov a teda interdisciplinárne prepojenie matematiky, informatiky a biológie, (prípadne i ďalších vedných disciplín, v ktorých je možné aplikovať spomínaný model rastu populácie).

### 3. CELULÁRNE AUTOMATY AKO MODELY RASTU POPULÁCIE

Problematikou celulárnych automatov sa ako prví zaoberali J.v. Neumann a S. Ulam, no k ich najväčšiemu rozmachu prispel až rozvoj počítačových technológií koncom 20. storočia. V tomto období rozhodujúci podiel pri popularizácii celulárnych automatov zohral Stephen Wolfram (1959 - ) a jeho publikácia *A New Kind in Science* (2002), v ktorej skladá hold tejto fascinujúcej štruktúre, a považuje ju za akýsi „základný princíp“ mnohých javov vo svete.

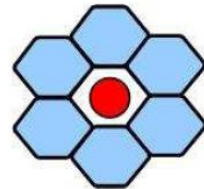
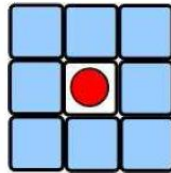
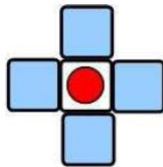
Celulárny automat (CA) (*angl. cellular automaton*) je dynamický systém a matematický model, ktorý stvárňuje evolúciu živého systému. Vo všeobecnosti ho môžeme charakterizovať pomocou troch základných parametrov:

- ✓ štruktúrou siete, prostredníctvom ktorej simulujeme zvolené javy,
- ✓ špecifikáciou subjektov, ktoré „žijú“ na tejto sieti,
- ✓ množinou pravidiel, podľa ktorých sa riadi evolúcia subjektov siete.

Celulárny automat:

- ✓ pracuje v diskretnom čase a priestore,
- ✓ je tvorený bunkami (cell),
- ✓ bunky môžu byť usporiadané do tvaru:
  - priamky – hovoríme o lineárnych jednorozmerných (označenie 1D CA),
  - pravidelnej mriežky (najčastejšie) – hovoríme o dvojrozmerných 2D CA,

- trojrozmernej štruktúry (označenie 3D CA).
- ✓ každá bunka môže nadobúdať najčastejšie dva stavy (binárny CA);
  - jeden stav označuje plné pole  $\Leftrightarrow$  **živá bunka (1)**
  - druhý stav označuje prázdne pole  $\Leftrightarrow$  **mŕtva bunka (0)**
- ✓ hodnoty stavov buniek sú určené prechodovou funkciou. Argumentom tejto funkcie sú aktuálne hodnoty stavu bunky a stavov buniek z jej okolia, teda bunka mení svoj stav podľa zadefinovaného pravidla,
- ✓ každá bunka má informáciu o sebe samej, ako aj o svojom okolí (lokálne informácie) a na základe toho koná a rozhoduje sa, čo urobí v ďalšom kroku (cykle, generácii),
- ✓ bunka má tiež okolie, ktoré vplýva na jej rozhodovanie o zmene jej stavu:
  - pre 1D CA je okolie definované ako počet susedných buniek po oboch stranách bunky,
  - pre 2D CA existujú tzv.:
    - ❖ Neumannovské okolie (4 susedia), obr.1,
    - ❖ Moorovské okolie (8 susedov), obr.2,
    - ❖ Šesťuholníkové okolie (6 susedov), obr.3.[1]



Obr.1: Neumannovské okolie Obr.2: Moorovské okolie Obr.3: Šesťuholníkové okolie

### 3.1. The Game of Life (Hra na život) – najznámejší celulárny automat

Ďalšou významnou osobnosťou spojenou s celulárnymi automatmi je anglický matematik John Horton Conway (1937 - ). V roku 1970 Martin Gardner, redaktor časopisu Scientific American, zaoberajúceho sa teóriou matematických hier, popularizoval fenomenálnu Conwayovu myšlienku a opublikoval návrh hry s názvom *The Game of Life*. V zapätí s rozvojom IKT sa hra stala azda najznámejším celulárnym automatom na svete. Fascinácia touto hrou má korene v jednoduchosti pravidiel, ktorými sa riadi, ktoré však následne indikujú nepredvídateľne zložené, rôznorodé a zaujímavé riešenia. The Game of Life je na jednej strane jednoduchým, no súčasne úžasne flexibilným modelom zrodu, evolúcie a vymierania kolónií živých organizmov.

Conway dlho experimentoval, testoval rôzne pravidlá rozvoja kolónií baktérií. Nakoniec určil princípy, ktoré zaručujú veľmi zaujímavý a súčasne nepredvídateľný rozvoj kolónií organizmov. Posolstvo tejto hry je predovšetkým v nasledujúcom:

„Aj jednoduché pravidlá môžu viesť k zložitým a komplexným riešeniam.“

Pravidlá hry špecifikujú, za akých podmienok:

- ✓ baktérie prežívajú do ďalšej generácie,
- ✓ na mieste mŕtvej sa rodí nová baktéria,
- ✓ živá baktéria umiera.

To, ktorá z uvedených situácií nastane sa riadi počtom žijúcich susedov danej bunky (baktérie). Hra využíva Moorovské okolie bunky a tieto postuláty:

- pre živé bunky: ak má bunka okolo seba menej než 2 bunky, potom umiera na osamelosť,
- pre živú bunku: ak má bunka okolo seba viac ako 3 bunky, potom umiera z „presýtenia“, „premnoženia“,

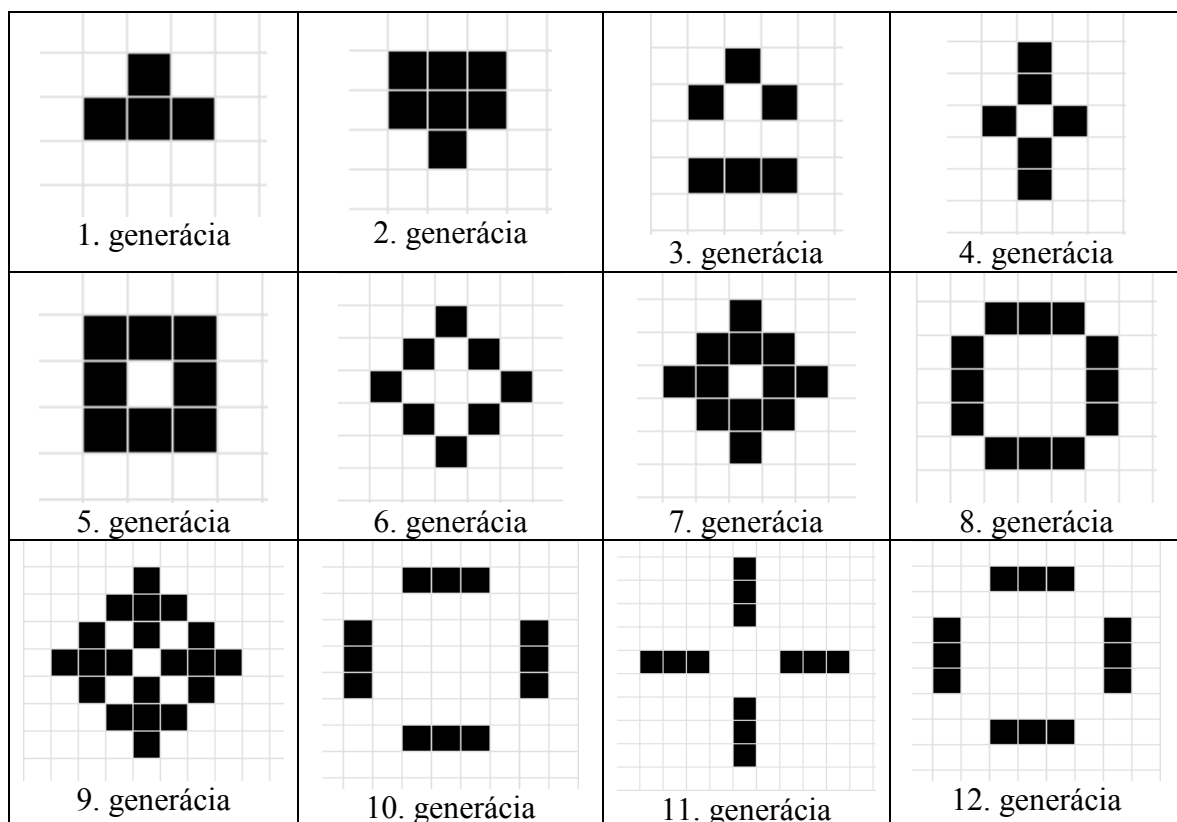
- pre živú bunku: ak má okolo seba 2 alebo tri bunky, potom bunka prežije do nasledujúcej generácie,
- pre mŕtvu bunku: ak má bunka v svojom okolí práve 3 bunky, potom príde k zrodu bunky (trojpohlavné rozmnožovanie), inak zostáva mŕtva.

Prvá generácia (krok, cyklus) sa realizuje pre začiatočnú konfiguráciu buniek podľa vyššie uvedených pravidiel, pričom pravidlá sa aplikujú súčasne na každú bunku. Ďalším aplikovaním pravidiel vznikajú ďalšie generácie buniek. Začiatočné obrazce, tvorené ľubovoľne zvoleným počtom živých buniek, smerujú po niekoľkých generáciách k jednej z nasledujúcich situácií:

- štruktúra po X generáciách zanikne,
- vzniká stabilná štruktúra,
- vzniká cyklicky sa opakujúci obrazec.

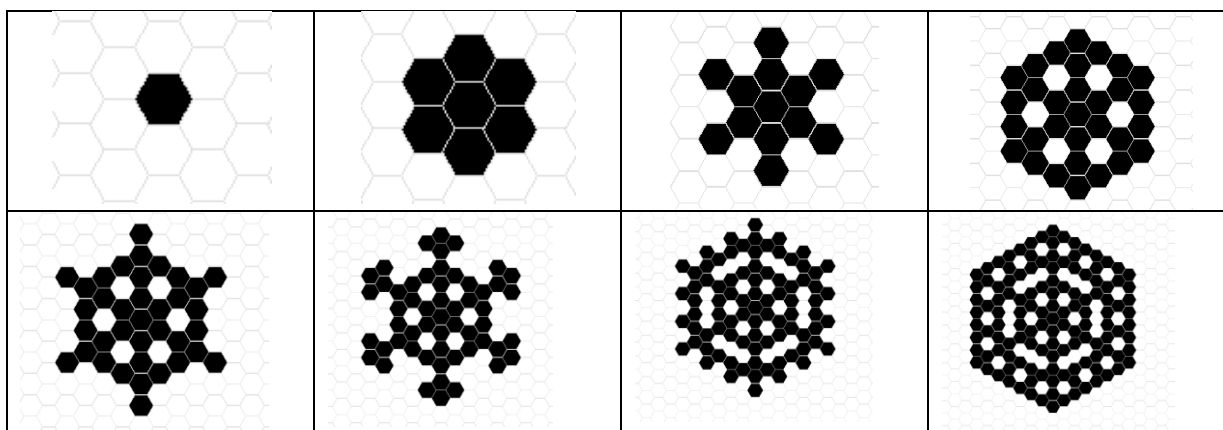
Hru na život je možné modelovať na obyčajnom štvorčekovom papieri, no s rozvojom počítačových technológií vzniklo množstvo počítačových programov, ktoré hru simulujú na počítači a sú voľne dostupné na internete. K takým patrí aj program **Conway**, ktorý sme použili pri koncipovaní tohto článku, a pomocou ktorého môžeme pozorovať evolúciu nami zvolenej konfigurácie buniek na obrazovke počítača. Program tiež umožňuje určovať si vlastné podmienky (postuláty) pre rast populácie, vybrať vhodné okolie bunky (sieť). Vďaka tomu ho môžeme aplikovať na riešenie veľkého množstva analogických problémov z rôznych oblastí života. Uvedieme dva konkrétne príklady. [2]

**Príklad 1.** Podmienky Hry na život aplikujeme na jednoduchú začiatočnú konfiguráciu na Moorovskom okolí buniek - vid' obr.4. Následne simulujeme jej evolúciu a registrujeme vznik obrazcov, predstavujúcich ďalšie generácie. Ako vidieť po jedenástich generáciách vzniká v tomto prípade stabilná oscilujúca štruktúra.



Obr.4: Evolúcia jednoduchej populácie - The Game of Life

**Príklad 2.** Snehová vločka. Pozrieme sa ešte na jeden celulárny automat, ktorý elementárnym spôsobom modeluje rast snehovej vločky. Vznik snehovej vločky je špeciálnym prípadom rastu kryštálov. Kryštál začína rásť od prvopočiatkovej bunky a generuje sa okolo nej podľa presne stanovených pravidiel. Pre vznik snehovej vločky môže byť „zárodkom“ napríklad zrnko prachu vznášajúce sa v povetří, či tiež jednoduchá baktéria. Vzhľadom na vrodennú hexagonalitu kryštálov ľadu, ktorá je podmienená symetriou molekúl vody, rast snehovej vločky budeme modelovať na šesťuholíkovej sieti (sieť ako plást medu). Pravidlo evolúcie snehovej vločky bude jednoduché: **Nový fragment kryštálu ľadu vznikne len v tej bunke, ktorá má práve jednu susednú bunku obsadenú kryštálíkom ľadu.** Na obrázku 5 vidíme celulárny automat a niekoľko začiatkových konfigurácií rastu kryštálu ľadu.



Obr.5: Evolúcia snehovej vločky

#### 4. VÝZNAM CELULÁRNYCH AUTOMATOV A MOŽNOSTI ICH VYUŽITIA

Je mnoho dôvodov, prečo študovať celulárne automaty. Umožňujú nám konštruovať modely, ktoré simulujú evolúciu živej hmoty. Môžeme tieto modely skúmať, môžeme na základe pozorovaní definovať aj iné podmienky pre model. Pomocou celulárnych automatov môžeme stvárňovať okrem biologických aj procesy z ďalších oblastí života [4]. Ide predovšetkým o také javy ako sú: pohyb sypkých materiálov (takých ako kopa piesku), priepustnosť kvapalín cez pórovitý materiál, šírenie lesných požiarov, tvorenie sa kolón na diaľnici, rozširovanie sociálnych sietí, vznik chemických zlúčenín, kryštalizácia, rast nádorov a mnohé ďalšie.

##### Literatura

- [1] A Life. *Celulárne automaty: Základné typy štruktúr*. Prístup z internetu: URL: <http://alife.tuke.sk/index.php?clanok=2264>.
- [2] Bialynicki – Birula, I: *Modelowanie rzeczywistosci*. PWN Warszawa. 2010.
- [3] Kalas, J., Pospíšil, Z.: *Spojité modely v biologii*, Masarykova univerzita, Brno, 2001, 265s., ISBN 80-210-2626-X .
- [4] PELÁNEK, R. *Buněčné automaty*. Přednáška. Prístup z internetu: URL: <http://www.fi.muni.cz/~xpelane/IV109/slidy/ca.pdf>.
- [5] Smítalová, K., Šujan, Š.: *Dynamické modely biologických spoločenstiev*, Veda, vydavateľstvo SAV, Bratislava, 1989, 160s. ISBN 80-224-0033-5.

Článok vznikol s podporou projektov **KEGA 041ŽU - 4/2011 a KEGA 046Ž U4 / 2011**.